

PacBio Long-read Sequencing 기술 소개부터 분석 Workflow까지

일시: 2026년 6월 10일(수) 오전 10시
장소: 원천관 534-2호

PacBio long-read sequencing은 genome assembly, structural variation, transcriptomics, HLA typing, microbial genomics 등 다양한 연구 분야에 활용되고 있습니다. 또한 최근에는 실험 수행뿐 아니라 데이터 분석 전략과 결과 해석의 중요성이 더욱 커지고 있습니다.

이번 세미나에서는 PacBio 및 long-read sequencing의 기본 개념부터 실제 연구 적용을 위한 데이터 분석 workflow, bioinformatics pipeline, 결과 해석 및 활용 방안까지 소개합니다.

세미나 주요 내용

PacBio
Long-read Sequencing
Technology Overview

PacBio Data
Structure 및
Analysis Workflow 소개

Application-based
Analysis
(Genome, Transcriptome,
Variant Analysis)

이런 분들께 추천 드립니다

- PacBio long-read sequencing을 처음 접하는 연구자 및 학생
- Long-read sequencing 데이터를 연구에 적용하고 싶은 분
- Genome, transcriptome, variant analysis workflow가 궁금한 분
- 실험 이후 데이터 분석 및 결과 해석 방향을 이해하고 싶은 분

Speakers

- 박지영 | MDxK, Product Manager
- 심예은 | MDxK, Field Application Specialist
- Wilson Cheng | PacBio APAC, Staff Bioinformatics Scientists



지금 사전등록하세요!